pCas-Guide-CRISPRa (SKU GE100055), 11/07/2019

8232 bp

GAATTCCCCAGTGGAAAGACGCGCAGGCAAAACGCACCACGTGACGGAGCGTGACCGCGCGCCGAGCGCGCGCCAAGGTCGGGCAGGAAGAGGGCCTATTTCCCATGATTCCTTCATATTTGCATATACGATACAAGGCTGTTAGAGAGATAATTAGAATTAATTTGACTGTAAACACAAAGATATTAGTACAAAATACGTGACGTAGAAAGTAATAATTTCTTGGGTAGTTTGCAGTTTTAAAATTATGTTTTAAAATGGACTATCATATGCTTACCGTAACTTGAAAGTATTTCGATTTCTTGGGTTTATATATCTTGTGGAAAGGACGCGGGATCCACTGGACCAGGCAGCAGCGTCAGAAGACTTTTTTGGAACGTCTCGTTTTAGAGCTAGGCCAACATGAGGATCACCCATGTCTGCAGGGCCTAGCAAGTTAAAATAAGGCTAGTCCGTTATCAACTTGGCCAACATGAGGATCACCCATGTCTGCAGGGCCAAGTGGCACCGAGTCGGTGCTTTTTTTGGTGTACATTTATATTGGCTCATGTCCAATATGACCGCCATGTTGACATTGATTATTGACTAGTTATTAATAGTAATCAATTACGGGGTCATTAGTTCATAGCCCATATATGGAGTTCCGCGTTACATAACTTACGGTAAATGGCCCGCCTGGCTGACCGCCCAACGACCCCCGCCCATTGACGTCAATAATGACGTATGTTCCCATAGTAACGCCAATAGGGACTTTCCATTGACGTCAATGGGTGGAGTATTTACGGTAAACTGCCCACTTGGCAGTACATCAAGTGTATCATATGCCAAGTCCGCCCCCTATTGACGTCAATGACGGTAAATGGCCCGCCTGGCATTATGCCCAGTACATGACCTTACGGGACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTACGTATTAGTCATCGCTATTACCATGGTGATGCGGTTTTGGCAGTACACCAATGGGCGTGGATAGCGGTTTGACTCACGGGGATTTCCAAGTCTCCACCCCATTGACGTCAATGGGAGTTTGTTTTGGCACCAAAATCAACGGGACTTTCCAAAATGTCGTAATAACCCCGCCCCGTTGACGCAAATGGGCGGTAGGCGTGTACGGTGGGAGGTCTATATAAGCAGAGCTCGTTTAGTGAACCGTCAGAATTTTGTAATACGACTCACTATAGGGCGGCCGGGAATTCGTCGACTGGAACCGGTACCGAGGAGATCTGCCGCCGCGATCGCCATGGATAAGAAATACTCAATAGGACTGGCTATTGGCACAAATAGCGTCGGATGGGCTGTGATCACTGATGAATATAAGGTTCCTTCTAAAAAGTTCAAGGTTCTGGGAAATACAGACCGCCACAGTATCAAAAAAAATCTTATAGGGGCTCTTCTGTTTGACAGTGGAGAGACAGCCGAAGCTACTAGACTCAAACGGACAGCTAGGAGAAGGTATACAAGACGGAAGAATAGGATTTGTTATCTCCAGGAGATTTTTTCAAATGAGATGGCCAAAGTGGATGATAGTTTCTTTCATAGACTTGAAGAGTCTTTTTTGGTGGAAGAAGACAAGAAGCATGAAAGACATCCTATTTTTGGAAATATAGTGGATGAAGTTGCTTATCACGAGAAATATCCAACTATCTATCATCTGAGAAAAAAATTGGTGGATTCTACTGATAAAGCCGATTTGCGCCTGATCTATTTGGCCCTGGCCCACATGATTAAGTTTAGAGGTCATTTTTTGATTGAGGGCGATCTGAATCCTGATAATAGTGATGTGGACAAACTGTTTATCCAGTTGGTGCAAACCTACAATCAACTGTTTGAAGAAAACCCTATTAACGCAAGTGGAGTGGATGCTAAAGCCATTCTTTCTGCAAGATTGAGTAAATCAAGAAGACTGGAAAATCTCATTGCTCAGCTCCCCGGTGAGAAGAAAAATGGCCTGTTTGGGAATCTCATTGCTTTGTCATTGGGTTTGACCCCTAATTTTAAATCAAATTTTGATTTGGCAGAAGATGCTAAACTCCAGCTTTCAAAAGATACTTACGATGATGATCTGGATAATCTGTTGGCTCAAATTGGAGATCAATATGCTGATTTGTTTTTGGCAGCTAAGAATCTGTCAGATGCTATTCTGCTTTCAGACATCCTGAGAGTGAATACTGAAATAACTAAGGCTCCCCTGTCAGCTTCAATGATTAAACGCTACGATGAACATCATCAAGACTTGACTCTTCTGAAAGCCCTGGTTAGACAACAACTTCCAGAAAAGTATAAAGAAATCTTTTTTGATCAATCAAAAAACGGATATGCAGGTTATATTGATGGCGGCGCAAGCCAAGAAGAATTTTATAAATTTATCAAACCAATTCTGGAAAAAATGGATGGTACTGAGGAACTGTTGGTGAAACTGAATAGAGAAGATTTGCTGCGCAAGCAACGGACCTTTGACAACGGCTCTATTCCCCATCAAATTCACTTGGGTGAGCTGCATGCTATTTTGAGAAGACAAGAAGACTTTTATCCATTTCTGAAAGACAATAGAGAGAAGATTGAAAAAATCTTGACTTTTAGGATTCCTTATTATGTTGGTCCATTGGCCAGAGGCAATAGTAGGTTTGCATGGATGACTCGGAAGTCTGAAGAAACAATTACCCCATGGAATTTTGAAGAAGTTGTCGATAAAGGTGCTTCAGCTCAATCATTTATTGAACGCATGACAAACTTTGATAAAAATCTTCCAAATGAAAAAGTGCTGCCAAAACATAGTTTGCTTTATGAGTATTTTACCGTTTATAACGAATTGACAAAGGTCAAATATGTTACTGAAGGAATGAGAAAACCAGCATTTCTTTCAGGTGAACAGAAGAAAGCCATTGTTGATCTGCTCTTCAAAACAAATAGGAAAGTGACCGTTAAGCAACTGAAAGAAGATTATTTCAAAAAAATAGAATGTTTTGATAGTGTTGAAATTTCAGGAGTTGAAGATAGATTTAATGCTTCACTGGGTACATACCATGATTTGCTGAAAATTATTAAAGATAAAGATTTTTTGGATAATGAAGAAAATGAAGACATCCTGGAGGATATTGTTCTGACATTGACCCTGTTTGAAGATAGGGAGATGATTGAGGAAAGACTTAAAACATACGCTCACCTCTTTGATGATAAGGTGATGAAACAGCTTAAAAGACGCAGATATACTGGTTGGGGAAGGTTGTCCAGAAAATTGATTAATGGTATTAGGGATAAGCAATCTGGCAAAACAATACTGGATTTTTTGAAATCAGATGGTTTTGCCAATCGCAATTTTATGCAGCTCATCCATGATGATAGTTTGACATTTAAAGAAGACATCCAAAAAGCACAAGTGTCTGGACAAGGCGATAGTCTGCATGAACATATTGCAAATCTGGCTGGTAGCCCTGCTATTAAAAAAGGTATTCTCCAGACTGTGAAAGTTGTTGATGAATTGGTCAAAGTGATGGGGCGGCATAAGCCAGAAAATATCGTTATTGAAATGGCAAGAGAAAATCAGACAACTCAAAAGGGCCAGAAAAATTCCAGAGAGAGGATGAAAAGAATCGAAGAAGGTATCAAAGAACTGGGAAGTCAGATTCTTAAAGAGCATCCTGTTGAAAATACTCAATTGCAAAATGAAAAGCTCTATCTCTATTATCTCCAAAATGGAAGAGATATGTATGTGGACCAAGAACTGGATATTAATAGGCTGAGTGATTATGATGTCGATGCCATTGTTCCACAAAGTTTCCTTAAAGACGATTCAATAGACAATAAGGTCCTGACCAGGTCTGATAAAAATAGAGGTAAATCCGATAACGTTCCAAGTGAAGAAGTGGTCAAAAAGATGAAAAACTATTGGAGACAACTTCTGAACGCCAAGCTGATCACTCAAAGGAAGTTTGATAATCTGACCAAAGCTGAAAGAGGAGGTTTGAGTGAACTTGATAAAGCTGGTTTTATCAAACGCCAATTGGTTGAAACTCGCCAAATCACTAAGCATGTGGCACAAATTTTGGATAGTCGCATGAATACTAAATACGATGAAAATGATAAACTTATTAGAGAGGTTAAAGTGATTACCCTGAAATCTAAACTGGTTTCTGACTTCAGAAAAGATTTCCAATTCTATAAAGTGAGAGAGATTAACAATTACCATCATGCCCATGATGCCTATCTGAATGCCGTCGTTGGAACTGCTTTGATTAAGAAATATCCAAAACTTGAAAGCGAGTTTGTCTATGGTGATTATAAAGTTTATGATGTTAGGAAAATGATTGCTAAGTCTGAGCAAGAAATAGGCAAAGCAACCGCAAAGTATTTCTTTTACTCTAATATCATGAACTTCTTCAAAACAGAAATTACACTTGCAAATGGAGAGATTCGCAAACGCCCTCTGATCGAAACTAATGGGGAAACTGGAGAAATTGTCTGGGATAAAGGGAGAGATTTTGCCACAGTGCGCAAAGTGTTGTCCATGCCCCAAGTCAATATCGTCAAGAAAACAGAAGTGCAGACAGGCGGATTCTCTAAGGAGTCAATTCTGCCAAAAAGAAATTCCGACAAGCTGATTGCTAGGAAAAAAGACTGGGACCCAAAAAAATATGGTGGTTTTGATAGTCCAACCGTGGCTTATTCAGTCCTGGTGGTTGCTAAGGTGGAAAAAGGGAAATCCAAGAAGCTGAAATCCGTTAAAGAGCTGCTGGGGATCACAATTATGGAAAGAAGTTCCTTTGAAAAAAATCCCATTGACTTTCTGGAAGCTAAAGGATATAAGGAAGTTAAAAAAGACCTGATCATTAAACTGCCTAAATATAGTCTTTTTGAGCTGGAAAACGGTAGGAAACGGATGCTGGCTAGTGCCGGAGAACTGCAAAAAGGAAATGAGCTGGCTCTGCCAAGCAAATATGTGAATTTTCTGTATCTGGCTAGTCATTATGAAAAGTTGAAGGGTAGTCCAGAAGATAACGAACAAAAACAATTGTTTGTGGAGCAGCATAAGCATTATCTGGATGAGATTATTGAGCAAATCAGTGAATTTTCTAAGAGAGTTATTCTGGCAGATGCCAATCTGGATAAAGTTCTTAGTGCATATAACAAACATAGAGACAAACCAATAAGAGAACAAGCAGAAAATATCATTCATCTGTTTACCTTGACCAATCTTGGAGCACCCGCTGCTTTTAAATACTTTGATACAACAATTGATAGGAAAAGATATACCTCTACAAAAGAAGTTCTGGATGCCACTCTTATCCATCAATCCATCACTGGTCTTTATGAAACACGCATTGATTTGAGTCAGCTGGGAGGTGACCCCAAGAAAAAACGCAAGGTGGAAGATCCTAAGAAAAAGCGGAAAGTGGACGACGCATTGGACGATTTTGATCTGGATATGCTGGGAAGTGACGCCCTCGATGATTTTGACCTTGACATGCTTGGTTCGGATGCCCTTGATGACTTTGACCTCGACATGCTCGGCAGTGACGCCCTTGATGATTTCGACCTGGACATGCTGACGCGTACGCGGCCGCTCGAGCAGAAACTCATCTCAGAAGAGGATCTGGCAGCAAATGATATCCTGGATTACAAGGATGACGACGATAAGGTTTAAACGGCCGGCCGCGGTCATAGCTGTTTCCTGAACAGATCCCGGGTGGCATCCCTGTGACCCCTCCCCAGTGCCTCTCCTGGCCCTGGAAGTTGCCACTCCAGTGCCCACCAGCCTTGTCCTAATAAAATTAAGTTGCATCATTTTGTCTGACTAGGTGTCCTTCTATAATATTATGGGGTGGAGGGGGGTGGTATGGAGCAAGGGGCAAGTTGGGAAGACAACCTGTAGGGCCTGCGGGGTCTATTGGGAACCAAGCTGGAGTGCAGTGGCACAATCTTGGCTCACTGCAATCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTTGTTGGGATTCCAGGCATGCATGACCAGGCTCAGCTAATTTTTGTTTTTTTGGTAGAGGCGGGGTTTCACCATATTGGCCAGGCTGGTCTCCAACTCCTAATCTCAGGTGATCTACCCACCTTGGCCTCCCAAATTGCTGGGATTACAGGCGTGAACCACTGCTCCCTTCCCTGTCCTTCTGATTTTAAAATAACTATACCAGCAGGAGGACGTCCAGACACAGCATAGGCTACCTGGCCATGCCCAACCGGTGGGACATTTGAGTTGCTTGCTTGGCACTGTCCTCTCATGCGTTGGGTCCACTCAGTAGATGCCTGTTGAATTGGGTACGCGGCCAGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAGGCGGTAATACGGTTATCCACAGAATCAGGGGATAACGCAGGAAAGAACATGTCCGTAAAAAGGCCGCGTTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTCCGCCCCCCTGACGAGCATCACAAAAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACAGGACTATAAAGATACCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCGCTCTCCTGTTCCGACCCTGCCGCTTACCGGATACCTGTCCGCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCTCATAGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCGGTGTAGGTCGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGTGTGCACGAACCCCCCGTTCAGCCCGACCGCTGCGCCTTATCCGGTAACTATCGTCTTGAGTCCAACCCGGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTGGTAACAGGATTAGCAGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCCTAACTACGGCTACACTAGAAGAACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTTCGGAAAAAGAGTTGGTAGCTCTTGATCCGGCAAACAAACCACCGCTGGTAGCGGTGGTTTTTTTGTTTGCAAGCAGCAGATTACGCGCAGAAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATCTTTTCTACGGGGTCTGACGCTCAGTGGAACGACGCGTAACTCACGTTAAGGGATTTTGGTCATGAGATTATCAAAAAGGATCTTCACCTAGATCCTTTTGCGGCCGCAAATCAATCTAAAGTATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTTACCAATGCTTAATCAGTGAGGCACCTATCTCAGCGATCTGTCTATTTCGTTCATCCATAGTTGCCTGACTCCCCGTCGTGTAGATAACTACGATACGGGAGGGCTTACCATCTGGCCCCAGTGCTGCAATGATACCGCGAGACCCACGCTCACCGGCTCCAGATTTATCAGCAATAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGCGCAGAAGTGGTCCTGCAACTTTATCCGCCTCCATCCAGTCTATTAATTGTTGCCGGGAAGCTAGAGTAAGTAGTTCGCCAGTTAATAGTTTGCGCAACGTTGTTGCCATTGCTACAGGCATCGTGGTGTCACGCTCGTCGTTTGGTATGGCTTCATTCAGCTCCGGTTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACATGATCCCCCATGTTGTGCAAAAAAGCGGTTAGCTCCTTCGGTCCTCCGATCGTTGTCAGAAGTAAGTTGGCCGCAGTGTTATCACTCATGGTTATGGCAGCACTGCATAATTCTCTTACTGTCATGCCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTCAACCAAGTCATTCTGAGAATAGTGTATGCGGCGACCGAGTTGCTCTTGCCCGGCGTCAATACGGGATAATACCGCGCCACATAGCAGAACTTTAAAAGTGCTCATCATTGGAAAACGTTCTTCGGGGCGAAAACTCTCAAGGATCTTACCGCTGTTGAGATCCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACTGATCTTCAGCATCTTTTACTTTCACCAGCGTTTCTGGGTGAGCAAAAACAGGAAGGCAAAATGCCGCAAAAAAGGGAATAAGGGCGACACGGAAATGTTGAATACTCATACTCTTCCTTTTTCAATATTATTGAAGCATTTATCAGGGTTATTGTCTCATGATGATATATTTTTATCTTGTGCAATGTAACATCAGAGATTTTGAGACACGGGCCAGAGCTGCCAGGAAACAGCTATGACCATGTAATACGACTCACTATAGGGGATATCAGCTGGATGGCAGTTAAC

90-330 U6 Promoter

334-340 BamH1

378-384 BsmB1

384-524 gRNA scaffold

951-1154 CMV promoter

1257-5651 dCas9-NLS-VP64-Myc-Flag

6441-7029 pBR322 origin

7193-8053 Ampr